

ОТЗЫВ

на автореферат диссертации Сухининой Ксении Вадимовны
«Использование методов молекулярного маркирования для изучения генетического разнообразия и получения исходного материала в селекции озимого ячменя», представленной на соискание ученой степени кандидата биологических наук по специальности 4.1.2. Селекция, семеноводство и биотехнология растений

Ячмень - одна из значимых сельскохозяйственных культур, высеваемых на территории Российской Федерации и всего мира. Его озимые формы более продуктивны относительно яровых и получили широкое распространение на юге нашей страны благодаря скороспелости и урожайности. Изобилие сортов озимого ячменя, допущенных в производство, регулярно дополняется новыми селекционными достижениями, более продуктивными и адаптивными к изменяющимся условиям окружающей среды. Классическая схема селекционного процесса предусматривает получение нового сорта в течение 10 лет и более. Настоящий факт заставляет селекционеров активно искать и применять новые способы и методы современных достижений науки для ускорения и повышения эффективности этапов селекции.

В связи с этим особую актуальность приобретает вопрос поиска новейших методик и практик, способных более глубоко изучить базу генетических ресурсов растений и отдельных особо ценных признаков, интересующих селекционера.

Сухининой К.В. чётко сформулированная цель исследований и задачи, которые обеспечили получение объективных и обоснованных результатов. Важным в работе является то, что впервые для изучения генетического разнообразия озимого ячменя, а также высокоэффективного подбора пар для гибридизации разработана современная комплексная схема анализа характеристик коллекционных и селекционных образцов, сочетающая классические методы изучения морфологических и фенологических признаков и современные молекулярно-генетические подходы с использованием iPBS - маркерных систем. На основе разработанной схемы подобраны перспективные высокопродуктивные родительские компоненты и получен новый исходный материал.

Работа имеет большое практическое значение – использование современных молекулярно-генетических методов в изучении генофонда озимого ячменя позволяет в короткие сроки точно и быстро получать четкое описание образцов по генетическим свойствам. Это значительно упрощает подбор родительских форм для создания новых высокоурожайных и

стрессоустойчивых сортов озимого ячменя. Анализ главных координат, кластерный анализ, а также анализ генетической структуры дают возможность определить гетерогенность изучаемой популяции и эффективно использовать ее в селекционных программах.

Значимость исследований соискателя подтверждена количеством публикаций в разных изданиях, в том числе входящих в перечень ВАК.

В целом диссертация Сухининой Ксении Вадимовны «Использование методов молекулярного маркирования для изучения генетического разнообразия и получения исходного материала в селекции озимого ячменя», представляет собой научно-квалификационную работу, которая соответствует требованиям Постановления Правительства РФ «О порядке присуждения ученых степеней» от 24.09.2013 № 842, а ее автор заслуживает присуждения искомой ученой степени кандидата биологических наук по специальности 4.1.2. Селекция, семеноводство и биотехнология растений.

Ведущий научный сотрудник лаборатории фитосанитарного мониторинга агроэкосистем ФГБНУ ФНЦБЗР, кандидат биол. наук (06.01.07- защита растений)

Оксана Юрьевна
Кремнева

26.11.25.

Федеральное государственное бюджетное научное учреждение «Федеральный научный центр биологической защиты растений»: 350039, Российская Федерация, Краснодарский край, город Краснодар, п/о-39; Тел./ факс: (861) 228-17-76; E-mail: info@fncbZR.ru, официальный сайт: <https://fncbZR.ru/>

Подпись кандидата биологических наук, вед. научн. сотр. О.Ю. Кремневой заверяю:

Ученый секретарь ФГБНУ ФНЦБЗР



Е.А. Есауленко